

El Servicio de Análisis Comparativo de ADN de la Suprema Corte de Justicia de la pcia de Buenos Aires, laboratorio coordinador del Ejercicio de Control de Calidad 2018 de la Sociedad Argentina de Genética Forense, certifica que:

Servicio de Huellas Digitales Genéticas

a cargo del Dr. Daniel Corach

ha participado en el Módulo de Parentesco Biológico del Ejercicio, consistente en un ejercicio práctico en el cual se analizaron tres muestras sanguíneas sobre soporte de papel (M1, M2 y M3), y un ejercicio teórico. Los resultados obtenidos por el laboratorio se indican en las siguientes tablas:

A) Ejercicio Práctico de Parentesco Biológico

1) Análisis de ADN nuclear:

i) STRs Autosómicos - Amelogenina

Marcador	M1	M2	M3
D8S1179	C	C	C
D21S11	C	C	C
D7S820	C	C	C
CSF1PO	C	C	C
D3S1358	C	C	C
TH01	C	C	C
D13S317	C	C	C
D16S539	C	C	C
D2S1338	C	C	C
D19S433	C	C	C
vWA	C	C	C
TPOX	C	C	C
D18S51	C	C	C
D5S818	C	C	C
FGA	C	C	C
Penta E	C	C	C
Penta D	C	C	C
D1S1656	C	C	C
D12S391	C	C	C
AMELOG	C	C	C
D10S1248	C	C	C
D22S1045	C	C	C
D2S441	C	C	C
SE33	C	C	C

ii) STRs Cromosoma Y

Marcador	M3
DYS456	C
DYS389 I	C
DYS390	C
DYS389 II	C
DYS458	C
DYS19	C
DYS385	C
DYS393	C
DYS391	C
DYS439 (GATA A4)	C
DYS635 (GATA C4)	C
DYS392	C
GATA H4	C
DYS437	C
DYS438	C
DYS448	C
DYS460 (GATA A7.1)	NA
DYS576	C
DYS481	C
DYS549	C
DYS533	C
DYS570	C
DYS643	C
DYS627	NA
DYS518	NA
DYS449	NA
DYF387S1	NA

iii) STRs Cromosoma X

Marcador	M1	M2	M3
DXS8378	C	C	C
DXS7423	C	C	C
DXS7132	C	C	C
DXS10103	C	C	C
DXS10134	C	C	C
DXS10074	C	C	C
DXS10101	C	C	C
DXS10135	C	C	C
DXS10146	C	C	C
DXS10079	C	C	C
HPRTB	C	C	C
DXS10148	C	C	C

Se incluye en el presente certificado los marcadores informados por 5 o más laboratorios

C: correcto (valor asignado); F/C: correcto, discrepancia de formato; D: discrepante; C/N: correcto, discrepancia de nomenclatura; T: error de transcripción; SA: sin valor asignado; NA: no analizado



Sociedad Argentina de Genética Forense

CERTIFICADO

Ejercicio de Control de Calidad
Sociedad Argentina de Genética Forense
Año 2018



PROVINCIA DE BUENOS AIRES
PODER JUDICIAL

2) Análisis de ADN mitocondrial:

Región	M1	M2	M3
HVI	C	C	C
HVII	C	C	C
HVII	C	C	C

C: correcto (valor asignado); F/C: correcto, discrepancia de formato; D: discrepante; C/N: correcto, discrepancia nomenclatura; T: error de transcripción; SA: sin valor asignado; NA: no analizado

B) Ejercicio Teórico de Parentesco Biológico

Marcador	Cálculo de LR
D8S1179	C
D7S820	C
CSF1PO	C
D3S1358	C
TH01	C
D13S317	C
D16S539	C
D2S1338	C
D19S433	C
vWA	C
TPOX	C
D18S51	C
D5S818	C
FGA	C
Total	C

C: correcto (valor asignado); F/C: correcto, discrepancia de formato; D: discrepante; C/N: correcto, discrepancia nomenclatura; T: error de transcripción; SA: sin valor asignado; NA: no analizado

Bioqco Lisandro Laborde
Coordinador del Ejercicio
Servicio de Análisis Comparativo de ADN
Suprema Corte de Justicia
Pcia de Buenos Aires